

SOFTWARE AVANZADO SQ PARA LA LINEA SPECTROQUEST

El Software Avanzado SQ es una opción para la línea SpectroQuest. Las versiones disponibles son:

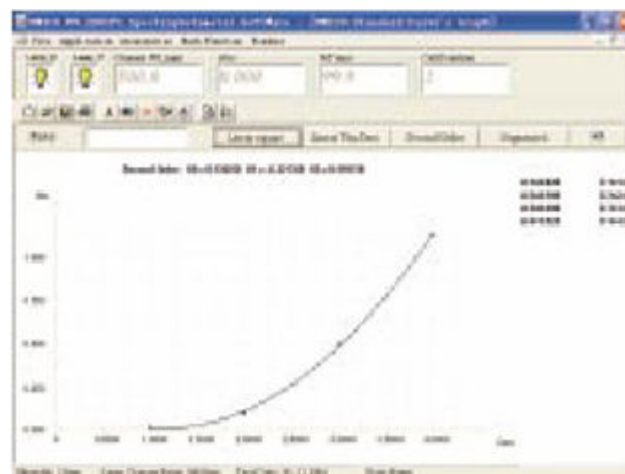
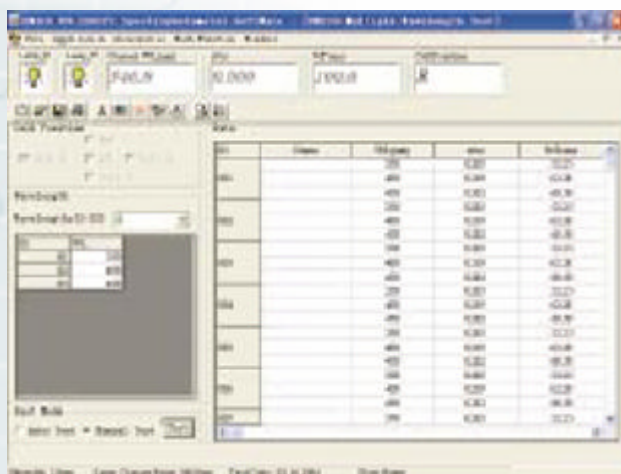
- SQ2800-401 para los modelos SQ2800 y SQ2802
- SQ3800-401 para el modelo SQ3802
- SQ4800-401 para el modelo SQ4802

El Software Avanzado SQ incluye todas las funciones principales de los espectrofotómetros de esta serie, le aumenta un poderoso procesador de datos, y expande la capacidad de recolección y almacenamiento de datos espectrofotométricos.

El Software Avanzado SQ viene completo con cable RS-232 y manual de instrucciones y es compatible con el sistema Operativo Windows XP.

Las funciones que este software ofrece son:

1. Absorbencia / % Transmitancia / Concentración
2. Cuantitativa (Curva Estándar)
3. Cinética
4. Longitud de Onda Múltiple
5. Escaneo
6. ADN/Proteína



Longitud de Onda Múltiple

Hasta 32 longitudes de onda pueden ser seleccionadas y múltiple muestras pueden ser medidas. Este proceso puede ser automatizado equipando su equipo con el carrusel automático para 8 cubetas (6 cubetas para el SQ4802)



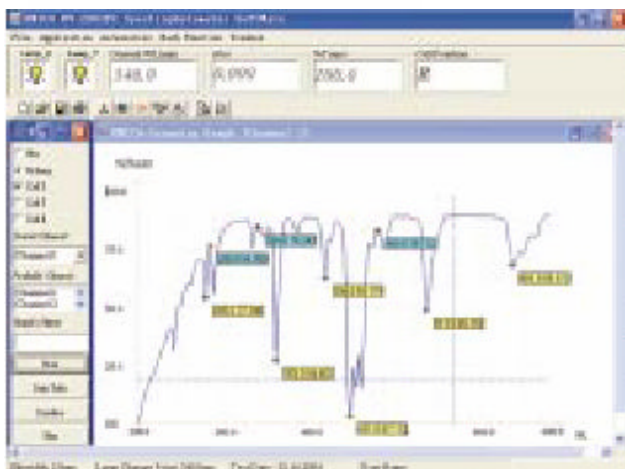
CARRUSELES AUTOMÁTICOS DE 8 Y 6 CUBETAS

Cuantitativa (Curva Estándar)

Use hasta 32 estándares para establecer una curva estándar usando los cuatro métodos disponibles:

1. Ajuste lineal
2. Ajuste lineal a través del cero
3. Ajuste cuadrado
4. Segmentación

ADN/Proteína - Cinética – Escaneo – Longitudes de Ondas Múltiples



Escaneo

Registre automáticamente los picos y valles. Ocho canales pueden registrar simultáneamente hasta 8 curvas.

Los resultados obtenidos pueden ser manipulados mediante los siguientes ajustes:

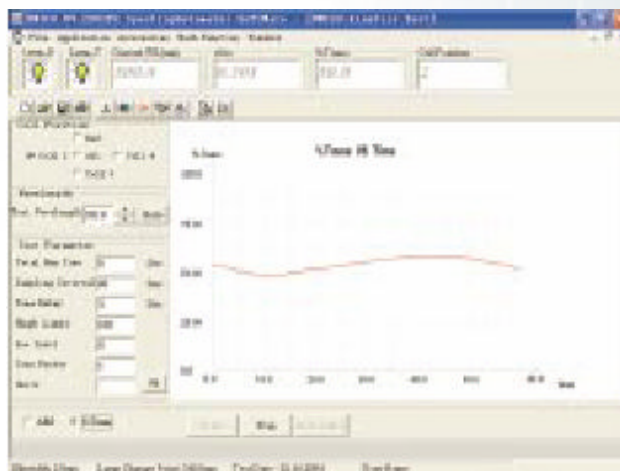
1. Ajuste de escala de los axis.
2. Alisamiento, combinación, ampliación, superposición.
3. 1er a 4to derivativos

Cinética (Absorbancia vs. Tiempo)

La modalidad cinética puede ser usada para mediciones contra tiempo o para calcular índices de reacción. Los resultados son presentados en vivo. Se puede programar el tiempo de espera, tiempo de medición e intervalo entre medidas.

La flexibilidad del software permite la selección de la porción de la curva en la cual se desea medir el índice de cambio, cambio de la escala de los axis y rastreo de la curva.

El índice es calculado mediante un algoritmo regresivo linear antes de ser multiplicado por el factor indicado.



Wavelength	Absorbance	...
260	0.000	...
262	0.000	...
264	0.000	...
266	0.000	...
268	0.000	...
270	0.000	...
272	0.000	...
274	0.000	...
276	0.000	...
278	0.000	...
280	0.000	...
282	0.000	...
284	0.000	...
286	0.000	...
288	0.000	...
290	0.000	...
292	0.000	...
294	0.000	...
296	0.000	...
298	0.000	...
300	0.000	...

ADN / Proteína

Concentración y pureza del ADN se pueden calcular fácil y rápidamente.

Índices de absorbancia a 260nm/280nm con absorbancia sustraída a 320nm opcional.

$$\text{Concentración ADN} = 62.9 \times A_{260} - 36.0 \times A_{280}$$

$$\text{Concentración Proteína} = 1552 \times A_{260} - 757.3 \times A_{280}$$

Otros factores y longitudes de onda pueden ser programados.